

Basepair クイックガイド
リファレンスゲノムアップロード編

作成日：20250911

1. ログイン

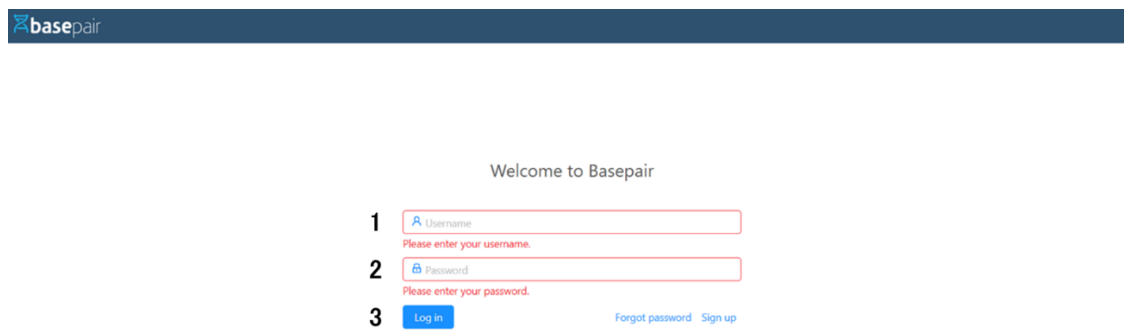


図 1：ログイン画面

1. 登録したアドレスを入力
2. 指定のパスワードを入力
3. **Log in** ボタンをクリック

2. リファレンスゲノムアップロード画面選択

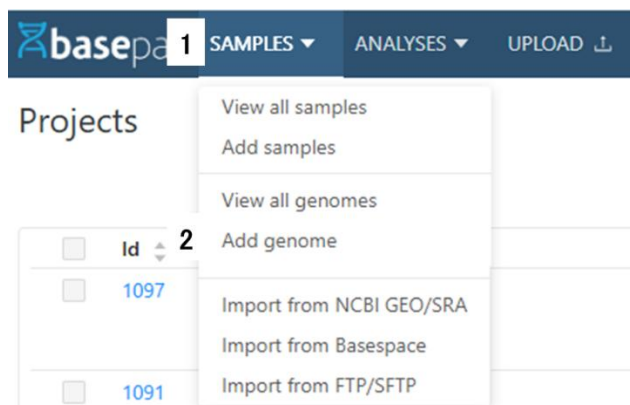


図 2：SAMPLES プルダウン選択画面

1. SAMPLES タブをクリック
2. Add genome をクリック

3. ゲノムファイルの選択

The screenshot shows a web form titled "New genome" with the following elements:

- 1**: A text input field for "Name" with a required field asterisk and a help icon.
- 2**: A dashed box for "Fasta file" with a file icon, the text "Full genome sequence in Fasta format", and "Click or drag file to this area to upload".
- 3**: A dashed box for "Gene file" with a file icon, the text "Gene models in gtf or refflat format", and "Click or drag file to this area to upload".
- 4**: A dropdown menu for "Is genome" with a help icon.
- 5**: A dropdown menu for "Genome parameters".
- 6**: A blue "Add Genome" button, a "Reset" button, and a "Hide" button.

図 3 : Add genome 選択後の画面

1. 遺伝子名を入力
2. ゲノムファイル（fasta 形式）を枠内にドラッグアンドドロップ
または
枠内の任意の場所をクリックしてから、ゲノムファイルを選択
3. 遺伝子アノテーションファイル（gtf 形式または refflat 形式）を枠内にドラッグアンドドロップ
または
枠内の任意の場所をクリックしてから、遺伝子アノテーションファイルを選択
4. アップロードファイルがゲノムまたはスパイクイン（または両方）であるかを選択
5. ゲノムのパラメーターを設定 [任意]
6. **Add Genome** をクリック